

Programm

Donnerstag 15.04.2010

- ab 13:00 **Anreise und Mittagsimbiss**
- 14:15 **Herzliches Willkommen!**
Harald Rieder, Düsseldorf
- Wir begrüßen besonders...**
- 14:30-14:45 Stefan Morsch Stiftung
NN, Birkenfeld
- Was gibt es Neues aus der Entwicklung?**
- 14:45-15:05 Titel wird noch angegeben
Ilse Chudoba, Metasystems, Altlußheim
- 15:05-15:25 Das neue Abbott Vysis Esophageal FISH Panel
Ursula Steglitz-Mörsdorf, Abbott Molecular, Wiesbaden
- 15:25-15:45 Titel wird noch angegeben
Michael Vetter, Metasystems, Altlußheim
- 15:45-16:00 **Pause**
- Was können wir besser machen?**
Friedel Wenzel, Basel
- 16:00-17:45 Diagnostische Standards
CML - Claudia Haferlach
MDS - Detlef Haase
CLL - Lana Harder
- 16:45-17:00 Ringversuche Chromosomenbandenanalyse
Birte Möhlendick, Düsseldorf
- 17:00-17:15 Hyperploidie – wie oft ist sie eigentlich nachweisbar?
Antje-Friederike Pelz, Magdeburg
- 17:15-17:30 Ringversuche Fluoreszenz-in situ-Hybridisierung (FISH)
Friedel Wenzel, Basel
- 17:30-17:45 Ringversuch zur FISH-Diagnostik bei Non-Hodgkin-Lymphomen
Lucia Floßbach, Ulm
- 17:45-18.00 *Abschluss-Diskussion*
- 19:00 **Abendessen / Abendliche Einstimmung**

Freitag 16.04.2010

Lymphatische Neoplasien

Lana Harder, Kiel

- 8:30-8:45 Zytogenetische Aberrationsmuster bei Non-Hodgkin-Lymphomen
Claudia Hepperger, München
- 8:45-9:00 Genetische Aberrationen und Proteinexpression von Bcl6 sind assoziiert mit einer blastischen Präsentation des extranodalen Marginalzonen-B-Zell-Lymphoms vom MALT-Typ
Elias Antoneag, Ulm
- 9:00-9:15 14q32-Rearrangements bei Kindern mit unreifer ALL
Jutta Bradtke, Giessen
- 9:15-9:30 RCSD1-ABL1: Eine rekurrente Genfusion in der B-Zell Vorläufer-Leukämie
Margit König, Wien
- 9:30-9:45 Ein Patient mit Ph+ ALL und hypodiploidem Karyotyp – ein Case Report
Silja Röttgers, Giessen
- 9:45-10:00 **Pause**
- Solide Tumoren**
Steffi Urbschat, Homburg
- 10:00-10:30 Lehren aus der genomischen Analyse disseminierter Tumorzellen beim Ösophaguskarzinom
Nikolas Stöcklein, Düsseldorf
- 10:30-10:45 Zytogenetische Marker für das Auftreten von Tumorrezidiven bei Meningeom Patienten
Steffi Urbschat, Homburg
- 10:45-11:00 Multiple menigioma with different grades of malignancy: case report with genetic analysis
Heidrun Holland, Leipzig
- 11:00-11:15 Chromosomale Imbalanzen bei Keimzelltumoren des Kindes- und Jugendalters
Stefan Schönberger, Düsseldorf
- 11:15-11:30 Somatische und konstitutionelle Mutationen im SMARCB1- und SMARCA4-Gen bei Patienten mit Rhabdoid-Tumoren
Stefan Gesk, Kiel
- 11:30-11:45 **Pause**
- Das Tagungschromosom**
- 11:45-12:15 *Vorl. Titel: Das X-Chromosom in der Tumorzytogenetik*
Jochen Harbott, Giessen

- 12:15-14:00 **Mittagspause**
- Akute myeloische Leukämie**
Detlef Haase, Göttingen
- 14:00-14:15 AML mit wechselnder Morphologie – zytogenetische und molekulare Korrelation
Martin Erdel, Linz
- 14:15-14:30 Unrelated clones bei AML und MDS- Charakterisierung und prognostische Relevanz
Stephanie Fischer, Kassel
- 14:30-14:45 Clinical relevance of NPM1 and FLT3 mutations in AML patients - uni-centre experience *Olga Blau, Berlin*
- 14:45-15:00 Ungewöhnliche Amplifikation bei biphänotypischer Leukämie im Kindesalter - Fallbericht
Christiane Bommer, Berlin
- 15:00-15:15 A new WHO entity: AML with inv(3)(q21q26) or t(3;3)(q21;q26)
Claudia Haferlach
- 15:15-15:45 **Pause**
- MTA- und Methoden-Workshop**
Harald Rieder, Düsseldorf
- 15:45-16:00 Plasmozytom
Astrid Schneider, Kiel
- 16:00-16:15 Diskussion
- 16:15-16:30 Etablierung einer qPCR für MRD-Diagnostik des NPM1-Gens
Anette Sindram, Berlin
- 16:30-16:45 Diskussion
- 16:45-17:00 Verfeinerte Bruchpunktbestimmung bei komplex veränderten Karyotypen mittels Chromosomen- und Array-CGH-Analysen am Beispiel von Osteosarkomzelllinien
Birte Möhlendick, Düsseldorf
- 17:00-17:15 Diskussion
- 17:15-17:30 Arbeiten mit dem Cytogenetic Data Analysis System (CyDAS)
Harald Rieder und Robin Küppers
- 17:30-18:00 Installation der Desktop-Version von CyDAS auf mitgebrachten Laptops und praktische Übungen
- 19:00 **Gruß aus dem Bergischen Land**
- Ab 20:00 **Lasst die Chromosomen tanzen!**

Samstag 17.04.2010

Plasmozytom und CLL

(Anna Jauch, Heidelberg)

- 9:00-9:15 Vergleich Säulen-basierter und Säulen-freier Verfahren für die kombinierte immunomagnetische Zellseparation und Chromosomenbandenanalyse bei Multiplem Myelom
Verena Giesen, Düsseldorf
- 9:15-9:30 Chromosomenaberrationen bei Plasmazellerkrankungen: Ein Vergleich von Monoklonale Gammopathie unbestimmter Signifikanz - Multiples Myelom - AL-Amyloidose
Anna Jauch, Heidelberg
- 9:30-9:45 Die Deletion in 14q32 (IgH) bei der B-CLL
Elisabeth Krömer, Wien
- 9:45-10:00 Bestimmung des maximalen Signalabstandes einer IGH-Break-apart Sonde an einem Normalkollektiv – ein Beitrag zur Cut-off-Level-Diskussion bei Interphase-FISH-Untersuchungen
Claudia Storer, Basel
- 10:00-10:30 Pause
- Myelodysplastisches Syndrom
Claudia Haferlach, München
- 10:30-10:45 Zytogenetische Risikogruppen beim MDS: Vorschlag für einen erweiterten Prognosescore
Julie Schanz, Göttingen
- 10:45-11:00 CD34 FISH - ein neues diagnostisches Verfahren und erste Ergebnisse der CD34 FISH-Studie unter besonderer Berücksichtigung der Karyotypevolution
Friederike Braulke, Göttingen
- 11:00-11:15 Unerwartete (FISH) Ergebnisse im Rahmen der CD34-Studie
Katayoon Shirmeshan, Göttingen
- 11:15-11:30 Zwei verschiedene del(5q)-Klone in einer MDS-Patientin: ein case report
Friederike Braulke, Göttingen
- 11:30-11:45 Nachweisgrenze gleich/kontra cut of level: Zellkern-FISH bei MDS und juv. ALL
Sabine Adolph, Stuttgart

11:45-12:00	Y-Verlust bei MDS-Patienten: Klonale Aberration oder altersbedingtes Phänomen? <i>Christine Ganster, Göttingen</i>
12:00-12:15	Pause
12:15-12:30	Tagungsrückblick <i>NN</i>
12:30-13:00	Vorschau 24. TZA in LINZ <i>Gerald Webersinke & Hans-Christoph Duba, Linz</i>
	Planung 25. TZA
Ab 13:00	Mittagsimbiss und Abreise